

Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal

Mais informações em <https://insaflu.insa.pt/covid19>



Relatório de situação

30 de agosto de 2022

O Instituto Nacional de Saúde Doutor Ricardo Jorge, I.P. analisou até à data **40895** seqüências do genoma do vírus SARS-CoV-2.

Frequência Relativa de variantes/linhagens de SARS-CoV-2 (Nacional)

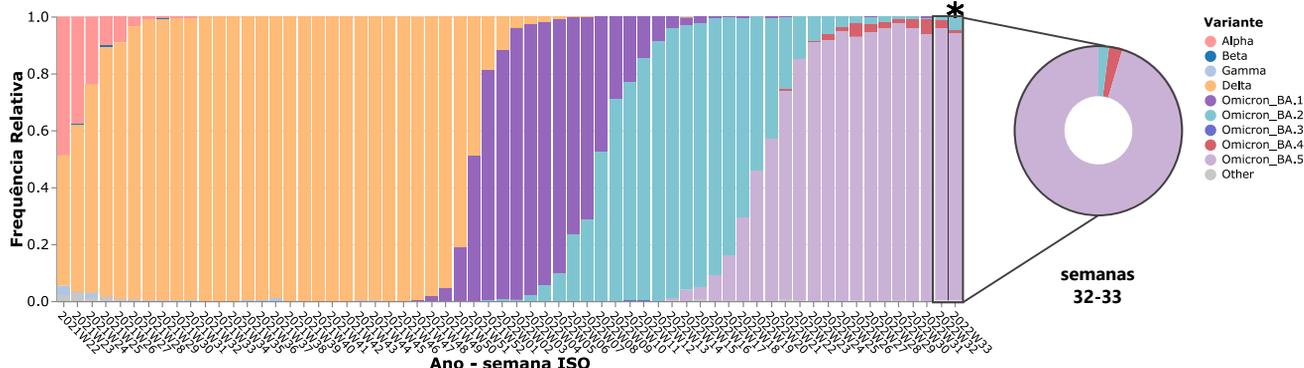


Figura 1: Evolução da frequência relativa semanal das variantes de SARS-CoV-2 em circulação em Portugal entre as semanas ISO 22 (31/05/21 a 06/06/21) e 33 (15/08/22 a 21/08/22). É de esperar a existência de algumas flutuações nas frequências apresentadas para a última semana em análise (semana ISO 33*), na medida em que ainda estão a ser apurados dados relativos a esse período. **Consulte no website este, e outros, gráficos de forma interativa.**

Principais destaques

- A linhagem BA.5 da variante **Omicron** (incluindo as suas múltiplas sub-linhagens) é **dominante em Portugal** desde a semana 19 (09/05/22 a 15/05/22), apresentando uma **frequência relativa de 94%** de acordo com a mais recente amostragem aleatória por sequenciação na semana 33 (15/08/22 a 21/08/22).
- A linhagem BA.4 da variante **Omicron** tem registado uma **frequência relativa estável** nas últimas amostragens semanais, **representando 2,6%** das seqüências analisadas nas semanas 32 e 33.
- A linhagem BA.2 da variante **Omicron** foi dominante em Portugal entre as semanas 8 (21/02/22 a 27/02/22) e 19 (09/05/22 a 15/05/22). Desde então a sua frequência relativa decresceu continuamente, **registando 2% nas semanas 32 e 33**. Têm vindo a ser monitorizadas sub-linhagens da BA.2 com uma mutação adicional na posição L452 da proteína Spike (associadas à resistência a anticorpos neutralizantes). Entre estas, destaca-se a circulação em Portugal da linhagem BA.2.12.1, embora a sua frequência relativa **não tenha ultrapassado, até à data, os 2%**. Destaca-se também a deteção, pela primeira vez em Portugal, de **3 seqüências da linhagem BA.2.75**, 2 no Norte e 1 em Lisboa e Vale do Tejo. Esta linhagem tem suscitado interesse devido à sua prevalência muito relevante em alguns países.

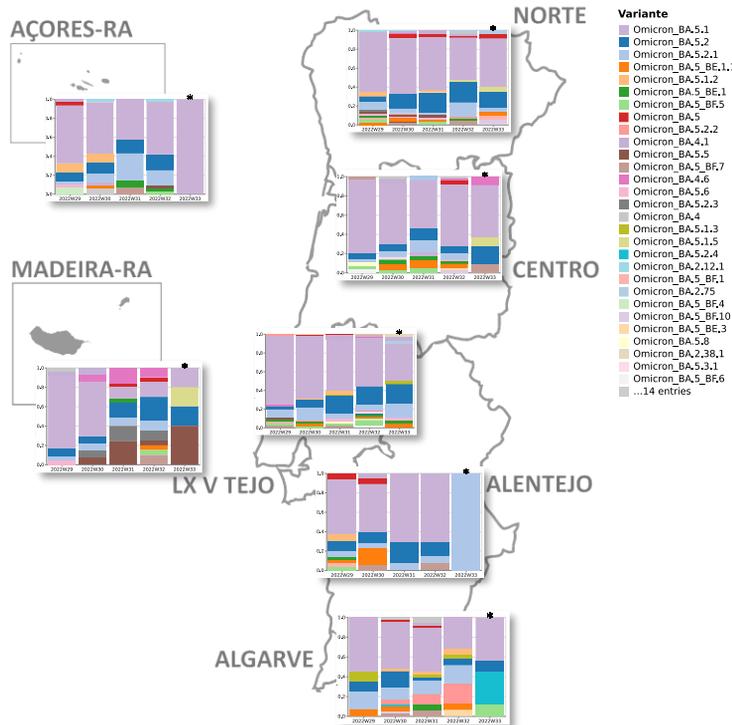


Figura 2: Evolução da frequência relativa semanal das (sub-)linhagens de SARS-CoV-2 em circulação em Portugal por Região de Saúde, entre as semanas ISO 28 (11/07/22 a 17/07/22) e 33 (15/08/22 a 21/08/22). A frequência relativa a nível regional deve ser interpretada com cautela devido aos números reduzidos de amostras em algumas regiões. É de esperar a existência de algumas flutuações nas frequências apresentadas para a última semana em análise (semana ISO 33*), na medida em que ainda estão a ser apurados dados relativos a esse período. **Consulte no website este, e outros, gráficos de forma interativa.**

Autoria

Núcleo de Genómica e Bioinformática
Departamento de Doenças Infecciosas
INSTITUTO NACIONAL DE SAÚDE DOUTOR RICARDO JORGE
Avenida Padre Cruz, 1649-016 Lisboa, PORTUGAL

Citação recomendada

Instituto Nacional de Saúde (INSA) Dr. Ricardo Jorge.
Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal. Lisboa, Portugal INSA; 2022. Disponível em: <https://insaflu.insa.pt/covid19>

Links úteis

<https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/situation-updates/variants-dashboard>
<https://www.who.int/activities/tracking-sars-cov-2-variants>
<https://cov-lineages.org/lineage-list.html>
<https://outbreak.info/>
<https://www.gisaid.org/>