

Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal

Mais informações em <https://insaflu.insa.pt/covid19>



Relatório de situação

25 de outubro de 2022

O Instituto Nacional de Saúde Doutor Ricardo Jorge, I.P. analisou até à data **43024** sequências do genoma do vírus SARS-CoV-2.

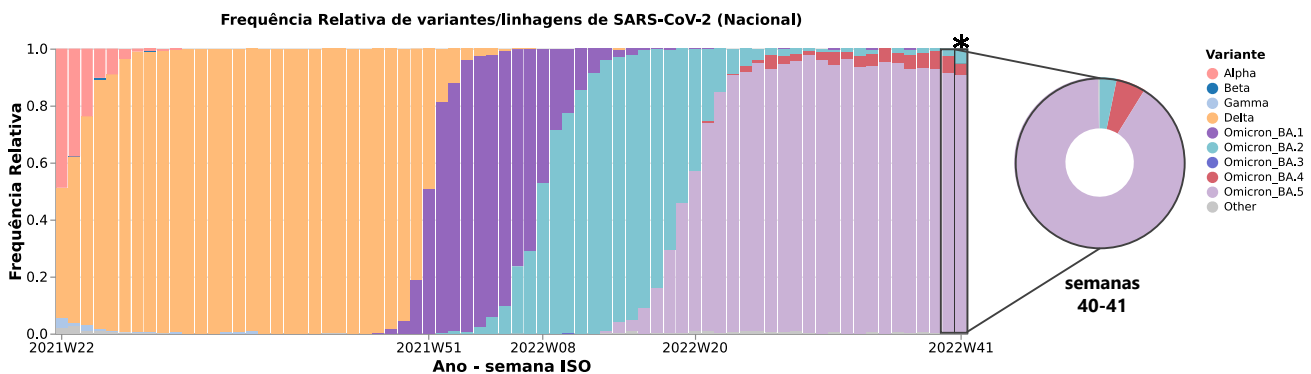


Figura 1: Evolução da frequência relativa semanal das variantes de SARS-CoV-2 em circulação em Portugal entre as semanas ISO 22 (31/05/21 a 06/06/21) e 41 (10/10/22 a 16/10/22). É de esperar a existência de algumas flutuações nas frequências apresentadas para a última semana em análise (semana ISO 41*), na medida em que ainda estão a ser apurados dados relativos a esse período. *Consulte no website este e outros gráficos de forma interativa.*

Principais destaques

- A **linhagem BA.5 da variante Omicron** (incluindo as suas múltiplas sub-linhagens) **é dominante em Portugal** desde a semana 19 (09/05/22 a 15/05/22), apresentando uma **frequência relativa de 90,7%** de acordo com a mais recente amostragem aleatória por sequenciação na semana 41 (10/10/22 a 16/10/22) (**Figura 1**).
- A **linhagem BA.4 da variante Omicron** representou **5,6%** das sequências analisadas nas semanas **40 e 41**, não se verificando oscilações consideráveis da sua frequência.
- A **linhagem BA.2 da variante Omicron foi dominante em Portugal entre as semanas 8 (21/02/22 a 27/02/22) e 19 (09/05/22 a 15/05/22)**. Desde então, a sua frequência relativa tem sido residual, apesar de um **ligeiro aumento nas semanas 40 e 41**, representando **3,2 %** das sequências deste período.
- No decurso da monitorização contínua da introdução e circulação de (novas) (sub-)linhagens de SARS-CoV-2 em Portugal **tem-se observado a emergência de sub-linhagens de interesse**, com novas constelações de mutações potencialmente associadas à resistência a anticorpos neutralizantes. Entre estas, destacam-se as **sub-linhagens da BA.2** (p.ex., BA.2.75.2), **BA.4** (p.ex., BA.4.6) e **BA.5** (p.ex., BF.7, BF.13 e BQ.1), algumas destas com considerável aumento de circulação em diversos países, nomeadamente na Europa. Em Portugal, realça-se o **aumento de frequência relativa das sub-linhagens BF.7, BF.13 e BQ.1**** (**engloba BQ.1 e suas descendentes), **em particular da sub-linhagem BQ.1.1** (**Figura 2**). Até à data, apenas foi detetada uma sequência da sub-linhagem recombinante XBB, a qual tem também aumentado de frequência em alguns países (p.ex., Singapura).

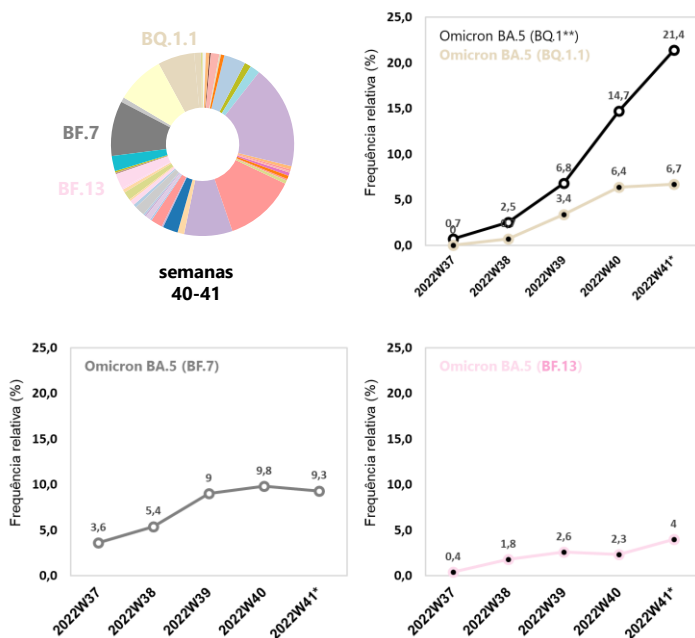


Figura 2: Sub-linhagens de interesse em circulação em Portugal. O gráfico circular mostra a distribuição da frequência relativa de sub-linhagens de SARS-CoV-2 no período das semanas 40 e 41 (entre 3 e 16 de outubro de 2022), destacando sub-linhagens de interesse com tendência crescente, cuja evolução nas últimas 5 semanas é ilustrada nos gráficos de linhas. BQ.1** engloba a BQ.1 e suas sub-linhagens (incluindo BQ.1.1). É de esperar a existência de algumas flutuações nas frequências apresentadas para a última semana em análise (semana ISO 41*), na medida em que ainda estão a ser apurados dados relativos a esse período. *Consulte no website este e outros gráficos de forma interativa.*

Autoria

Núcleo de Genómica e Bioinformática
Departamento de Doenças Infecciosas
INSTITUTO NACIONAL DE SAÚDE DOUTOR RICARDO JORGE
Avenida Padre Cruz, 1649-016 Lisboa, PORTUGAL

Citação recomendada

Instituto Nacional de Saúde (INSA) Dr. Ricardo Jorge.
Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal. Lisboa, Portugal INSA; 2022. Disponível em: <https://insaflu.insa.pt/covid19>

Links úteis

<https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/situation-updates/variants-dashboard>
<https://www.who.int/activities/tracking-SARS-CoV-2-variants>
<https://cov19-lineages.org/lineage-list.html>
<https://outbreak.info/>
<https://www.gisaid.org/>