

# Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal

Mais informações em <https://insaflu.insa.pt/covid19>



## Relatório de situação

8 de novembro de 2022

O Instituto Nacional de Saúde Doutor Ricardo Jorge, I.P. analisou até à data **43268** seqüências do genoma do vírus SARS-CoV-2.

Frequência Relativa de variantes/linhagens de SARS-CoV-2 (Nacional)

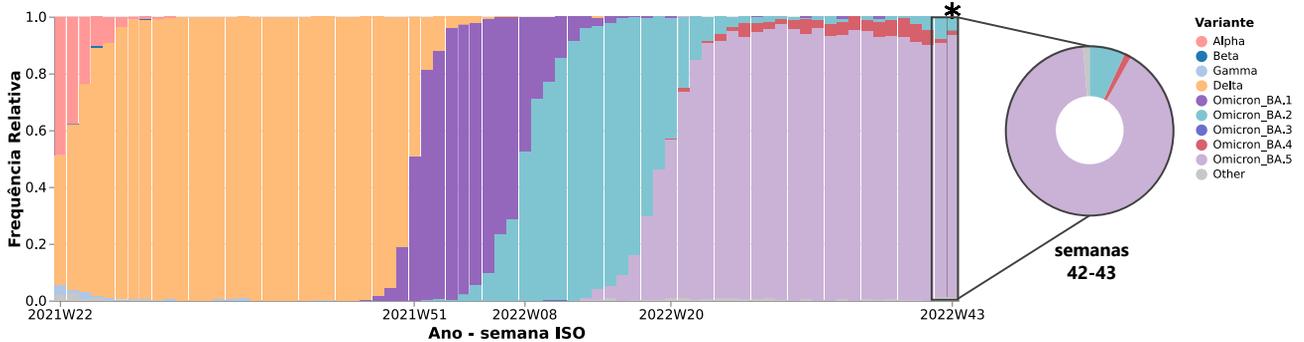


Figura 1: Evolução da frequência relativa semanal das variantes de SARS-CoV-2 em circulação em Portugal entre as semanas ISO 22 (31/05/21 a 06/06/21) e 43 (24/10/22 a 30/10/22). É de esperar a existência de algumas flutuações nas frequências apresentadas para a última semana em análise (semana ISO 43\*), na medida em que ainda estão a ser apurados dados relativos a esse período. Consulte no website este e outros gráficos de forma interativa.

## Principais destaques

- A linhagem **BA.5** da variante **Omicron** (incluindo as suas múltiplas sub-linhagens) é **dominante em Portugal** desde a semana 19 (09/05/22 a 15/05/22), apresentando uma **frequência relativa de 92,5%** de acordo com a mais recente amostragem aleatória por sequenciação na semana 43 (24/10/22 a 30/10/22) (Figura 1).
- A linhagem **BA.4** da variante **Omicron** representou **1,3%** das seqüências analisadas nas semanas **42 e 43**, apresentando um decréscimo da sua frequência relativamente às semanas anteriores (Figura 1).
- A linhagem **BA.2** da variante **Omicron** foi dominante em Portugal entre as semanas 8 (21/02/22 a 27/02/22) e 19 (09/05/22 a 15/05/22). Desde então, a sua frequência relativa tem sido residual, apesar de um ligeiro aumento nas semanas **42 e 43**, representando **6,9 %** das seqüências deste período.
- No decurso da monitorização contínua da introdução e circulação de (novas) (sub-)linhagens de SARS-CoV-2 em Portugal **tem-se observado a emergência de sub-linhagens de interesse**, com novas constelações de mutações potencialmente associadas à resistência a anticorpos neutralizantes. Entre estas, destacam-se as **sub-linhagens de BA.2** (p.ex., BN.1), **BA.4** (p.ex., BA.4.6) e **BA.5** (p.ex., BF.7, BF.13 e BQ.1), algumas destas com considerável aumento de circulação em diversos países, nomeadamente na Europa. Em Portugal, realça-se o **aumento de frequência relativa das sub-linhagens BQ.1\*\* (BQ.1 e suas descendentes, em particular a BQ.1.1), BF.7 e BN.1** (Figura 2). Até à data, foram detetadas quatro seqüências da sub-linhagem recombinante XBB (sobretudo a sua descendente XBB.1), a qual tem também aumentado de frequência em alguns países (p.ex., Singapura).

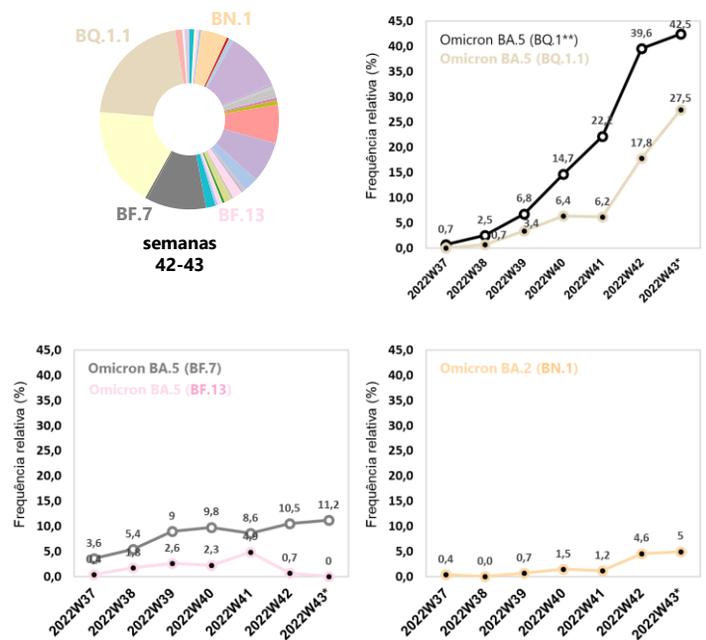


Figura 2: Sub-linhagens de interesse em circulação em Portugal. O gráfico circular mostra a distribuição da frequência relativa de sub-linhagens de SARS-CoV-2 no período das semanas 42 e 43 (entre 17 e 30 de outubro de 2022), destacando sub-linhagens de interesse, cuja evolução nas últimas 7 semanas é ilustrada nos gráficos de linhas. BQ.1\*\* engloba a BQ.1 e suas sub-linhagens (incluindo BQ.1.1, BQ.1.2 e BQ.1.4). É de esperar a existência de algumas flutuações nas frequências apresentadas para a última semana em análise (semana ISO 43\*), na medida em que ainda estão a ser apurados dados relativos a esse período. Consulte no website outros gráficos de forma interativa.

### Autoria

Núcleo de Genómica e Bioinformática  
Departamento de Doenças Infecciosas  
INSTITUTO NACIONAL DE SAÚDE DOUTOR RICARDO JORGE  
Avenida Padre Cruz, 1649-016 Lisboa, PORTUGAL

### Citação recomendada

Instituto Nacional de Saúde (INSA) Dr. Ricardo Jorge.  
Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal. Lisboa, Portugal INSA; 2022. Disponível em: <https://insaflu.insa.pt/covid19>

### Links úteis

<https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/situation-updates/variants-dashboard>  
<https://www.who.int/activities/tracking-SARS-CoV-2-variants>  
<https://cov-lineages.org/lineage-list.html>  
<https://outbreak.info/>  
<https://www.gisaid.org/>