

# Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal

Mais informações em <https://insaflu.insa.pt/covid19>



## Relatório de situação

24 de janeiro de 2023

O Instituto Nacional de Saúde Doutor Ricardo Jorge, I.P. analisou até à data **44935** seqüências do genoma do vírus SARS-CoV-2.

Frequência Relativa de variantes/linhagens de SARS-CoV-2 (Nacional)

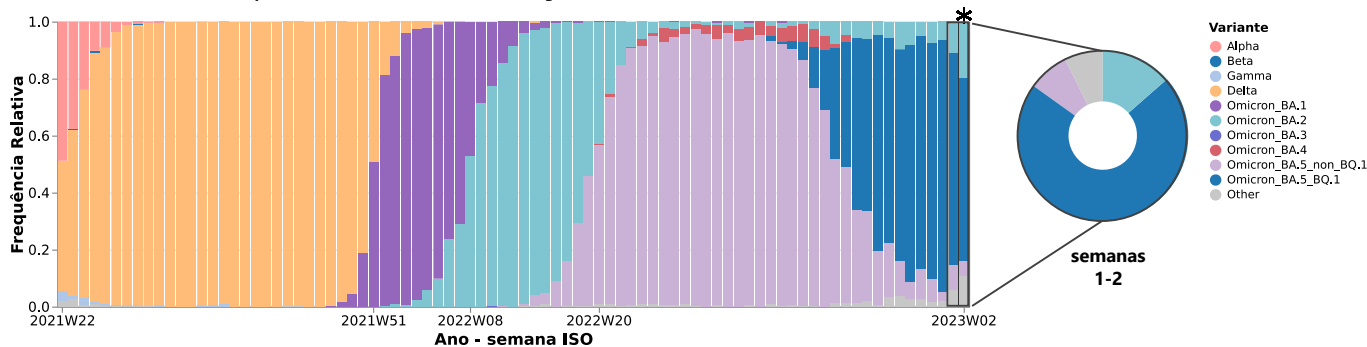


Figura 1: Evolução da frequência relativa semanal das variantes de SARS-CoV-2 em circulação em Portugal entre as semanas ISO 22 (31/05/21 a 06/06/21) e 02 (09/01/23 a 15/01/23). É de esperar a existência de algumas flutuações nas frequências apresentadas para a última semana em análise (semana ISO 02\*), na medida em que ainda estão a ser apurados dados relativos a esse período. Consulte no website este e outros gráficos de forma interativa.

## Principais destaques

- A linhagem **BA.5 da variante Omicron** (incluindo as suas múltiplas sub-linhagens) é **dominante em Portugal** desde a semana 19 (09/05/22 a 15/05/22), apresentando uma frequência relativa de **79,2%** de acordo com a mais recente amostragem aleatória por sequenciação entre as semanas 01 e 02 (02/01/23 a 15/01/23) (Figura 1).
- A frequência relativa da linhagem **BA.4 da variante Omicron** tem sido residual, **não tendo sido detectada** nenhuma seqüência nas últimas 4 semanas (Figura 1).
- A linhagem **BA.2 da variante Omicron** foi dominante em Portugal entre as semanas 8 (21/02/22 a 27/02/22) e 19 (09/05/22 a 15/05/22). Desde então, a sua frequência relativa tem sido residual, ressurgindo recentemente sobretudo devido às linhagens **BN.1** e **CH.1.1** (e suas sub-linhagens), com frequências relativas de 4,7% e 8,3%, respectivamente, entre as semanas 1 e 2.
- No decurso da monitorização contínua da introdução e circulação de (novas) (sub-)linhagens de SARS-CoV-2 em Portugal, **tem-se observado a emergência de sub-linhagens de interesse**, com novas constelações de mutações potencialmente associadas à resistência a anticorpos neutralizantes. Em Portugal, destaca-se a intensa circulação da sub-linhagem **BQ.1** (e suas descendentes, em particular a **BQ.1.1**), a qual é dominante desde a semana 44, embora com um aparente decréscimo desde a semana 52 (Figura 2). Até à data, foram identificadas 52 seqüências da sub-linhagem recombinante **XBB** em Portugal. Entre estas, realça-se a **deteção de 7 seqüências da sub-linhagem XBB.1.5** desde a semana 49. Esta sub-linhagem tem suscitado elevado interesse devido à sua capacidade de evasão ao sistema imunitário e ao seu recente aumento de frequência em vários países, nomeadamente nos EUA.

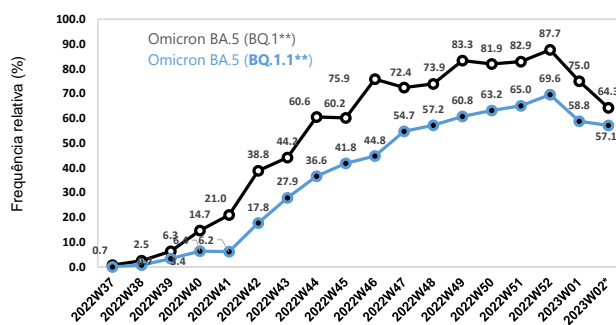
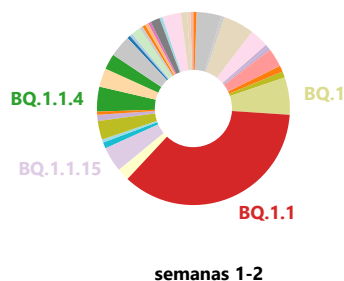


Figura 2: Evolução da frequência relativa da sub-linhagem BQ.1 e suas descendentes BQ.1.1 em Portugal. O gráfico circular mostra a distribuição da frequência relativa de sub-linhagens de SARS-CoV-2 no período das semanas 1 e 2 (entre 02 e 15 de janeiro de 2023), destacando as sub-linhagens que representam mais de 4% das seqüências analisadas neste período. A evolução de BQ.1\*\* e BQ.1.1\*\* nas últimas 18 semanas é ilustrada no gráfico de linhas. É de esperar a existência de algumas flutuações nas frequências apresentadas para a última semana em análise (semana ISO 2\*), na medida em que ainda estão a ser apurados dados relativos a esse período. \*\* As frequências apresentadas são relativas às sub-linhagens e suas descendentes. Consulte no website outros gráficos de forma interativa.

### Autoria

Núcleo de Genómica e Bioinformática  
Departamento de Doenças Infecciosas  
INSTITUTO NACIONAL DE SAÚDE DOUTOR RICARDO JORGE  
Avenida Padre Cruz, 1649-016 Lisboa, PORTUGAL

### Citação recomendada

Instituto Nacional de Saúde (INSA) Dr. Ricardo Jorge.  
Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal. Lisboa, Portugal INSA; 2022. Disponível em: <https://insaflu.insa.pt/covid19>

### Links úteis

<https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/situation-updates/variants-dashboard>  
<https://www.who.int/activities/tracking-SARS-CoV-2-variants>  
[https://cov-lineages.org/lineage\\_list.html](https://cov-lineages.org/lineage_list.html)  
<https://outbreak.info/>  
<https://www.gisaid.org/>