

# Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal

Mais informações em <https://insaflu.insa.pt/covid19>

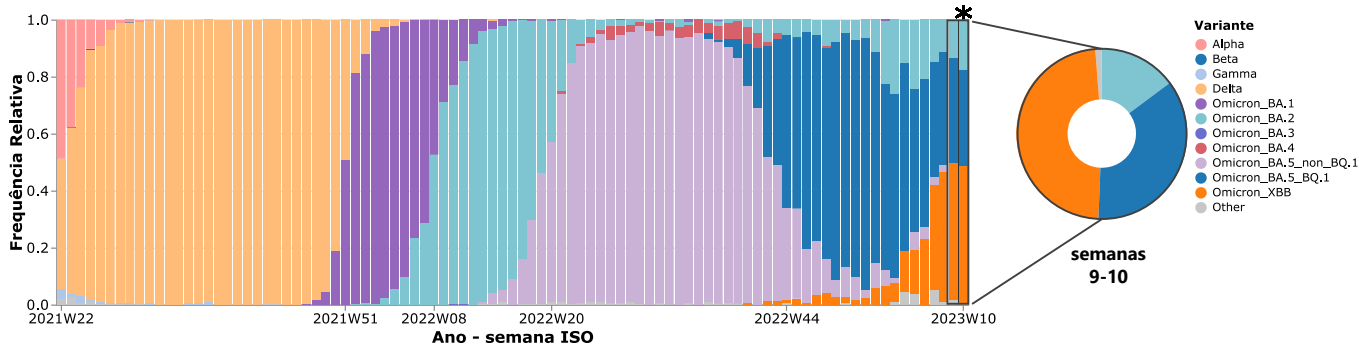


## Relatório de situação

21 de março de 2023

O Instituto Nacional de Saúde Doutor Ricardo Jorge, I.P. analisou até à data **45852** seqüências do genoma do vírus SARS-CoV-2.

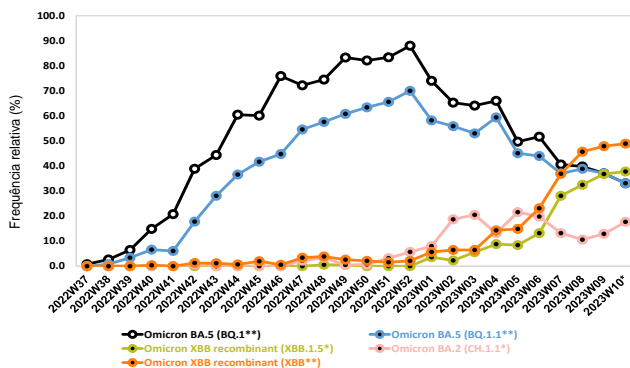
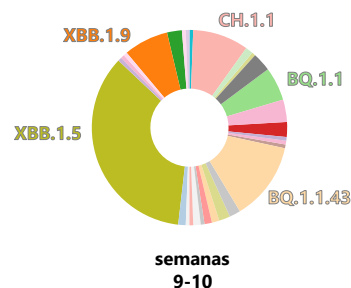
Frequência Relativa de variantes/linhagens de SARS-CoV-2 (Nacional)



**Figura 1:** Evolução da frequência relativa semanal das variantes de SARS-CoV-2 em circulação em Portugal entre as semanas ISO 22 (31/05/21 a 06/06/21) e 10 (06/03/23 a 12/03/23), com foco nas duas últimas semanas. É de esperar a existência de algumas flutuações nas frequências apresentadas para a última semana em análise (semana ISO 10\*), na medida em que ainda estão a ser apurados dados relativos a esse período. **Consulte no website este e outros gráficos de forma interativa.**

## Principais destaques

- A **linhagem BA.5 da variante Omicron** (incluindo as suas múltiplas sub-linhagens) **foi dominante em Portugal entre as semanas 19 de 2022 (09-15/05/22) e 7 de 2023 (13-19/02/23)**, sendo que, a partir da semana 44 de 2022, a sua intensa circulação é devida sobretudo à **sua sub-linhagem BQ.1 (e suas descendentes, em particular a BQ.1.1)** (Figura 1 e Figura 2). Desde a semana 52 de 2022 (26/12/22 a 01/01/23) a linhagem BA.5 tem vindo a apresentar um decréscimo contínuo na sua frequência relativa, **atingindo os 35,8%** de acordo com a mais recente amostragem aleatória por sequenciação entre as semanas 9 e 10 (27/02/23 a 12/03/23) (Figura 1).
- Em 2022, a **linhagem BA.2 da variante Omicron foi dominante em Portugal entre as semanas 8 (21-27/02/22) e 19 (09-15/05/22)**, mantendo uma frequência relativa residual durante o período de dominância da linhagem BA.5 (Figura 1). No entanto, desde semana 51 de 2022 (19-25/12/22), registou um progressivo aumento de frequência sobretudo devido à circulação da **linhagem CH.1.1 (e suas sub-linhagens)** (Figura 2), apresentando uma **frequência relativa de 14,8%** entre as semanas 9 e 10 (27/02/23 a 12/03/23).
- Desde a semana 1 de 2023, destaca-se o aumento de circulação da **sub-linhagem recombinante XBB (e suas descendentes)**, a qual registou uma **frequência relativa de 48,2%** entre as semanas 9 e 10 (Figura 1). Em particular, realça-se a circulação em Portugal da sua **sub-linhagem XBB.1.5 (e suas descendentes)** desde a semana 49 de 2022 (Figura 2).
- As sub-linhagens com maior frequência relativa em Portugal atualmente (BQ.1, CH.1.1, XBB e suas descendentes) apresentam constelações de mutações potencialmente associadas à resistência a anticorpos neutralizantes. Assim, a sua maior transmissibilidade poderá dever-se a uma maior capacidade de evasão ao sistema imunitário.



**Figura 2:** Evolução da frequência relativa de algumas sub-linhagens de interesse a circular em Portugal. O gráfico circular mostra a distribuição da frequência relativa de sub-linhagens de SARS-CoV-2 no período das semanas 9 e 10 (entre 27 de Fevereiro e 12 de Março de 2023), **destacando as sub-linhagens que representam mais de 4% das seqüências analisadas neste período.** A evolução de BQ.1\*\*, BQ.1.1\*\*, CH.1.1\*\*, XBB\*\* e XBB.1.5\* nas últimas semanas é ilustrada no gráfico de linhas. É de esperar a existência de algumas flutuações nas frequências apresentadas para a última semana em análise (semana ISO 10\*), na medida em que ainda estão a ser apurados dados relativos a esse período. \*\* As frequências apresentadas são relativas às sub-linhagens e suas descendentes. **Consulte no website outros gráficos de forma interativa.**

### Autoria

Núcleo de Genómica e Bioinformática  
Departamento de Doenças Infecciosas  
INSTITUTO NACIONAL DE SAÚDE DOUTOR RICARDO JORGE  
Avenida Padre Cruz, 1649-016 Lisboa, PORTUGAL

### Citação recomendada

Instituto Nacional de Saúde (INSA) Dr. Ricardo Jorge.  
Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal. Lisboa, Portugal INSA; 2022. Disponível em: <https://insaflu.insa.pt/covid19>

### Links úteis

<https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/situation-updates/variants-dashboard>  
<https://www.who.int/activities/tracking-sars-cov-2-variants>  
<https://cov-lineages.org/lineage-list.html>  
<https://outbreak.info/>  
<https://www.gisaid.org/>