

# Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal

Mais informações em <https://insaflu.insa.pt/covid19>

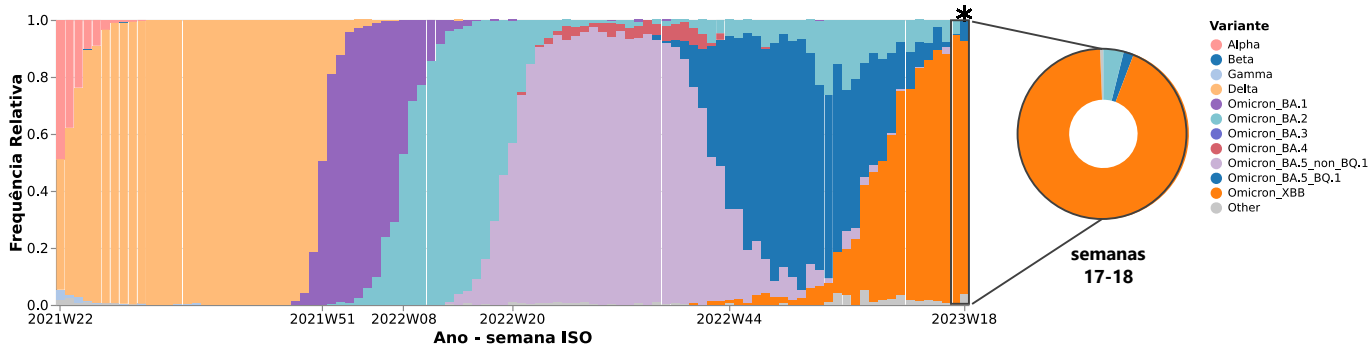


## Relatório de situação

16 de maio de 2023

O Instituto Nacional de Saúde Doutor Ricardo Jorge, I.P. analisou até à data **46829** seqüências do genoma do vírus SARS-CoV-2.

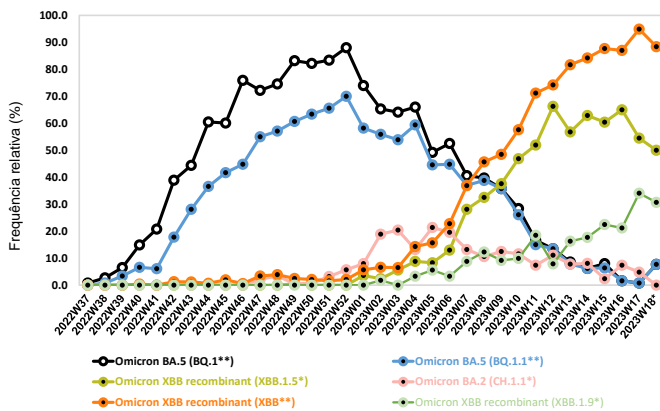
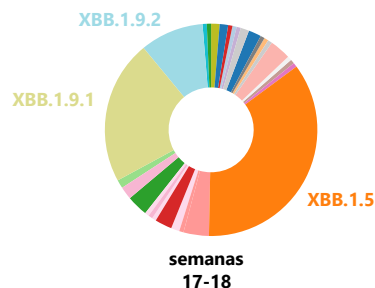
Frequência Relativa de variantes/linhagens de SARS-CoV-2 (Nacional)



**Figura 1:** Evolução da frequência relativa semanal das variantes de SARS-CoV-2 em circulação em Portugal entre as semanas ISO 22 (31/05/21 a 06/06/21) e 18 (01/05/23 a 07/05/23), com foco nas duas últimas semanas. É de esperar a existência de algumas flutuações nas frequências apresentadas para a última semana em análise (semana ISO 18\*), na medida em que ainda estão a ser apurados dados relativos a esse período. **Consulte no website este e outros gráficos de forma interativa.**

## Principais destaques

- A **linhagem BA.5 da variante Omicron** (incluindo as suas múltiplas sub-linhagens) **foi dominante em Portugal entre as semanas 19 de 2022 (09-15/05/22) e 7 de 2023 (13-19/02/23)**, sendo que, a partir da semana 44 de 2022, a sua intensa circulação foi devida sobretudo à sua sub-linhagem **BQ.1 (e suas descendentes, em particular a BQ.1.1)** (Figura 1 e Figura 2). A **linhagem BA.5** tem vindo a apresentar um decréscimo contínuo na sua frequência relativa desde a semana 52 de 2022, atingindo os **2%** entre as semanas 17 e 18 (24/04/23 a 07/05/23) (Figura 1).
- Em 2022, a **linhagem BA.2 da variante Omicron foi dominante em Portugal entre as semanas 8 (21-27/02/22) e 19 (09-15/05/22)**, tendo mantido uma frequência relativa residual durante o período de dominância da linhagem BA.5 (Figura 1). Registou um aumento de frequência entre as semanas 51 de 2022 e 3 de 2023, sobretudo devido à circulação da **linhagem CH.1.1 (e suas sub-linhagens)** (Figura 2). Desde esse período, a frequência relativa da **linhagem BA.2** tem vindo a decrescer, registando **3,9%** entre as semanas 17 e 18.
- Desde a semana 1 de 2023, tem-se registado um marcado aumento de circulação **da sub-linhagem recombinante XBB (e suas descendentes)**, a qual se tornou **dominante em Portugal na semana 10 (Figura 1)**. Na última amostragem, registou uma **frequência relativa de 93,6%** (semanas 17 e 18), maioritariamente devido às suas sub-linhagens **XBB.1.5 e XBB.1.9 (e suas descendentes)** (Figura 2).
- As sub-linhagens com maior frequência relativa em Portugal atualmente (nomeadamente a XBB e as suas descendentes) apresentam constelações de mutações potencialmente associadas à resistência a anticorpos neutralizantes. Assim, a sua maior transmissibilidade poderá dever-se a uma maior capacidade de evasão ao sistema imunitário.



**Figura 2:** Evolução da frequência relativa de algumas sub-linhagens de interesse a circular em Portugal. O gráfico circular mostra a distribuição da frequência relativa de sub-linhagens de SARS-CoV-2 no período das semanas 17 e 18 (entre 24 de Abril e 7 de Maio de 2023), **destacando as sub-linhagens que representam mais de 5% das seqüências analisadas neste período.** A evolução de BQ.1\*\*, BQ.1.1\*\*, CH.1.1\*\*, XBB\*\* e XBB.1.5\* nas últimas semanas é ilustrada no gráfico de linhas. É de esperar a existência de algumas flutuações nas frequências apresentadas para a última semana em análise (semana ISO 18\*), na medida em que ainda estão a ser apurados dados relativos a esse período. \*\* As frequências apresentadas são relativas às sub-linhagens e suas descendentes. **Consulte no website outros gráficos de forma interativa.**

## Autoria

Núcleo de Genómica e Bioinformática  
Departamento de Doenças Infecciosas  
INSTITUTO NACIONAL DE SAÚDE DOUTOR RICARDO JORGE  
Avenida Padre Cruz, 1649-016 Lisboa, PORTUGAL

## Citação recomendada

Instituto Nacional de Saúde (INSA) Dr. Ricardo Jorge.  
Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal. Lisboa, Portugal INSA; 2022. Disponível em: <https://insaflu.insa.pt/covid19>

## Links úteis

<https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/situation-updates/variants-dashboard>  
<https://www.who.int/activities/tracking-SARS-CoV-2-variants>  
<https://cov-lineages.org/lineage-list.html>  
<https://outbreak.info/>  
<https://www.gisaid.org/>