

# Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal

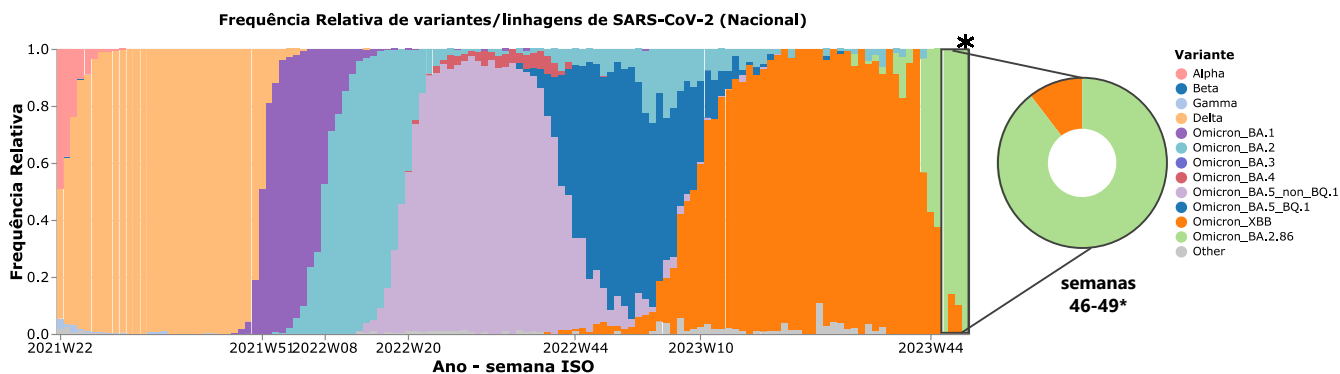
Mais informações em <https://insaflu.insa.pt/covid19>



## Relatório de situação

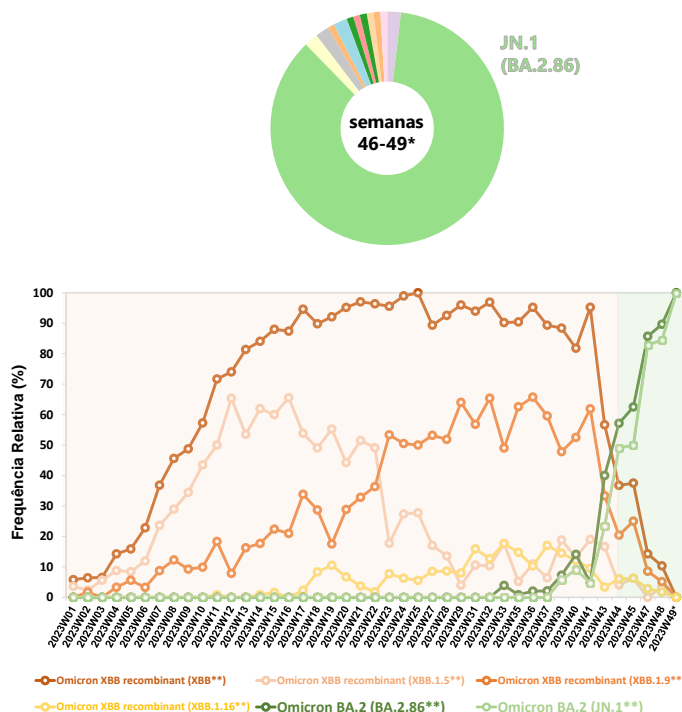
19 de dezembro de 2023

O Instituto Nacional de Saúde Doutor Ricardo Jorge, I.P. analisou até à data **48842** seqüências do genoma do vírus SARS-CoV-2.



## Principais destaques

- A **linhagem recombinante XBB** (e suas descendentes) foi **dominante em Portugal** desde semana 10 de 2023 até à semana 43 (Figura 1). Na última amostragem (semanas 46 a 49), registou uma **frequência relativa de 10%**, maioritariamente devido às suas **sub-linhagens XBB.1.5, XBB.1.9 e XBB.1.16** (e suas descendentes) (Figura 2).
- A **linhagem BA.2** da variante *Omicron* foi dominante em Portugal nos primeiros meses de 2022, tendo mantido uma circulação discreta desde então, até ao surgimento da sua **sub-linhagem BA.2.86**, a qual foi detetada pela primeira vez em Portugal na semana 33 de 2023 (14-20 Agosto). Nas últimas semanas, a **BA.2.86** (e suas descendentes) **tem apresentado uma frequência relativa com tendência fortemente crescente, atingindo 90% entre as semanas 46 e 49** (Figura 1), sobretudo devido à circulação da sua sub-linhagem JN.1 (Figura 2).
- Embora as frequências relativas apresentadas devam ser interpretadas com prudência devido à baixa amostragem atual, a **linhagem BA.2.86 é já claramente dominante em Portugal**, substituindo as linhagens recombinantes XBB, à semelhança do que se tem observado internacionalmente. A linhagem BA.2.86 tem suscitando interesse internacional devido ao seu perfil mutacional, o qual representa um “salto evolutivo” em relação à sua ancestral BA.2, sendo também divergente em termos antigénicos das variantes XBB. Estas características conferem-lhe uma maior capacidade de fuga ao sistema imunitário, e, potencialmente, uma maior transmissibilidade.



### Autoria

Núcleo de Genómica e Bioinformática  
Departamento de Doenças Infecciosas  
INSTITUTO NACIONAL DE SAÚDE DOUTOR RICARDO JORGE  
Avenida Padre Cruz, 1649-016 Lisboa, PORTUGAL

### Citação recomendada

Instituto Nacional de Saúde (INSA) Dr. Ricardo Jorge.  
Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal. Lisboa, Portugal INSA; 2022. Disponível em: <https://insaflu.insa.pt/covid19>

### Links úteis

<https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/situation-updates/variants-dashboard>  
<https://www.who.int/activities/tracking-SARS-CoV-2-variants>  
<https://cov-lineages.org/lineage-list.html>  
<https://outbreak.info/>  
<https://www.gisaid.org/>