

Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal

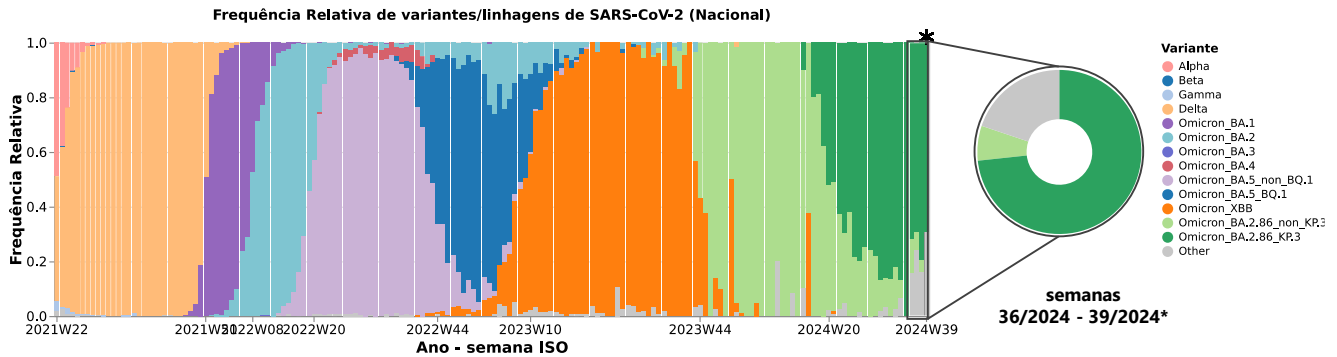
Mais informações em <https://insaflu.insa.pt/covid19>



Relatório de situação

8 de outubro de 2024

O Instituto Nacional de Saúde Doutor Ricardo Jorge, I.P. analisou até à data **50421** seqüências do genoma do vírus SARS-CoV-2.



Principais destaques

- A **linhagem BA.2.86** da variante *Omicron* é dominante em Portugal desde a semana 44 de 2023, após a sua primeira deteção na semana 33/2023. Na última amostragem, que compreendeu o período entre as semanas 36/2024 e 39/2024, a linhagem BA.2.86 apresentou uma **tendência decrescente**, registando uma **frequência relativa de 80,15%** (Figura 1).
- Circulam maioritariamente em Portugal a sua sub-linhagem KP.3 e descendentes (Figura 2). Entre estas, destaca-se a **sub-linhagem KP.3.1.1**, a qual apresentou também uma tendência decrescente na sua frequência relativa, representando **49,6%** das seqüências analisadas entre as semanas 36/2024 e 39/2024. A sub-linhagem KP.3 inclui-se na lista de variantes de interesse do ECDC (<https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/variants-concern>) (Figura 2).
- A **linhagem recombinante XEC**, recentemente incluída na lista de variantes sob monitorização pelo ECDC, foi detetada em Portugal pela primeira vez na semana 31/2024 (Figura 2). Na última amostragem (semanas 36/2024 a 39/2024), apresentou uma **tendência crescente na sua frequência relativa**, totalizando **19,1%** das seqüências analisadas. Paralelamente, esta linhagem tem vindo a ser detetada em vários países, com **tendência crescente a nível global**.

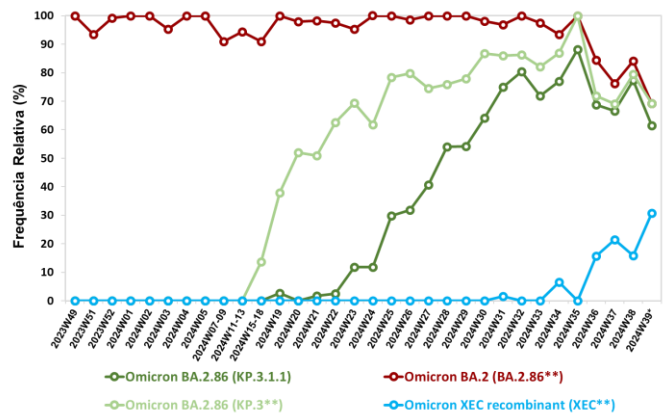
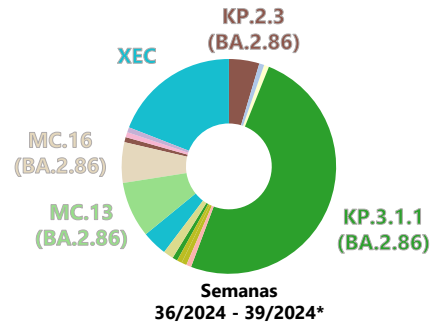


Figura 2: Evolução da frequência relativa de algumas sub-linhagens de interesse a circular em Portugal. O gráfico circular mostra a distribuição da frequência relativa de sub-linhagens de SARS-CoV-2 no período das semanas 36/2024 a 39/2024 (entre 02 a 29 de setembro de 2024) destacando as sub-linhagens com maior frequência neste período. A evolução da frequência relativa da linhagem BA.2.86 (com destaque para as sub-linhagens, KP.3 e KP.3.1.1) e da linhagem recombinante XEC nas últimas semanas é ilustrada no gráfico de linhas. **As frequências apresentadas são relativas às sub-linhagens e suas descendentes. Consulte no website outros gráficos de forma interativa.

Nota técnica: A linhagem recombinante XEC resultou da recombinação entre duas sub-linhagens da BA.2.86 (KS.1.1 e KP.3.3). Para melhor monitorização da sua circulação e interpretação deste relatório, é apresentada de forma independente da linhagem ancestral BA.2.86.

Autoria

Núcleo de Genómica e Bioinformática
Departamento de Doenças Infecciosas
INSTITUTO NACIONAL DE SAÚDE DOUTOR RICARDO JORGE
Avenida Padre Cruz, 1649-016 Lisboa, PORTUGAL

Citação recomendada

Instituto Nacional de Saúde (INSA) Dr. Ricardo Jorge.
Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal. Lisboa, Portugal INSA; 2022. Disponível em: <https://insaflu.insa.pt/covid19>

Links úteis

<https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/situation-updates/variants-dashboard>
<https://www.who.int/activities/tracking-sars-cov-2-variants>
https://cov-lineages.org/lineage_list.html
<https://outbreak.info/>
<https://www.gisaid.org/>