

# Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal

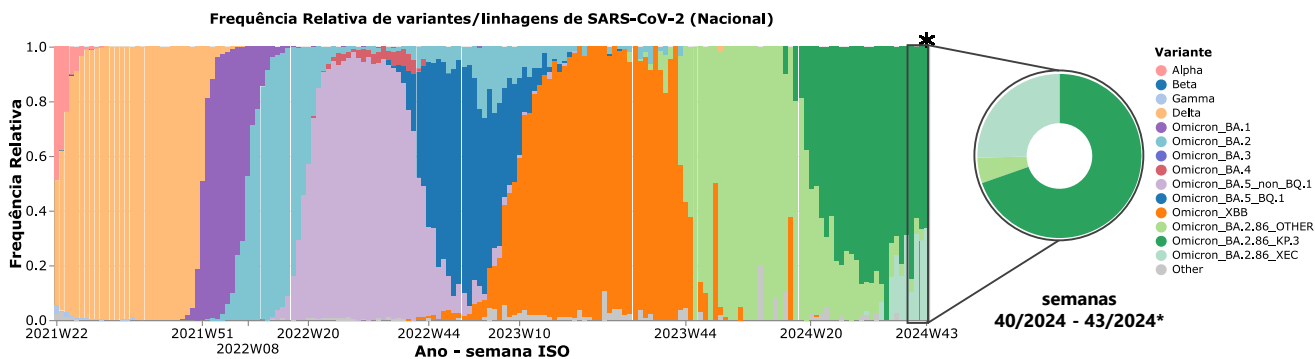
Mais informações em <https://insaflu.insa.pt/covid19>



## Relatório de situação

5 de novembro de 2024

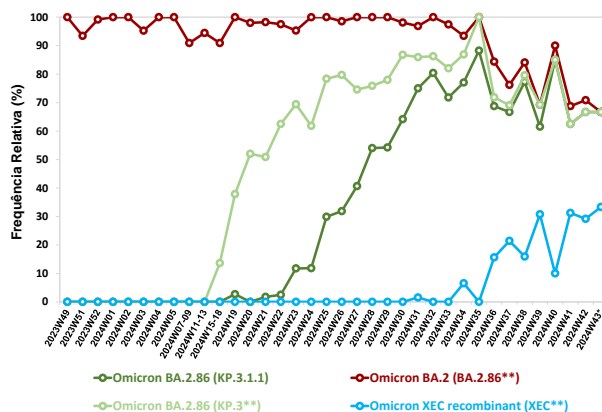
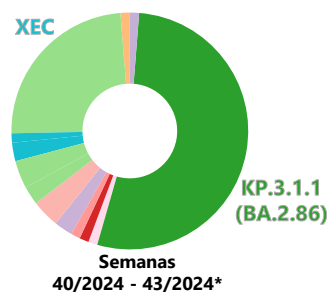
O Instituto Nacional de Saúde Doutor Ricardo Jorge, I.P. analisou até à data **50500** seqüências do genoma do vírus SARS-CoV-2.



**Figura 1:** Evolução da frequência relativa semanal das variantes de SARS-CoV-2 em circulação em Portugal entre as semanas ISO 22/2021 (31/05/21 a 06/06/21) e 43/2024 (21/10/24 a 27/10/24), com foco nas últimas semanas. \*As frequências relativas apresentadas referem-se ao período entre as semanas ISO 40/2024 a 43/2024. **Consulte no website este e outros gráficos de forma interativa.**

## Principais destaques

- A **linhagem BA.2.86** da variante *Omicron* é **dominante em Portugal desde a semana 44 de 2023**, após a sua primeira deteção na semana 33/2023. Na última amostragem, que compreendeu o período entre as semanas 40/2024 e 43/2024, a linhagem BA.2.86 apresentou uma **tendência decrescente**, registando uma **frequência relativa de 74,7%** (Figura 1).
- Circulam maioritariamente em Portugal a sua sub-linhagem KP.3 e descendentes (Figura 2). Entre estas, destaca-se a **sub-linhagem KP.3.1.1**, a qual apresentou também uma tendência decrescente na sua frequência relativa, representando **69,6%** das seqüências analisadas entre as semanas 40/2024 e 43/2024. A sub-linhagem KP.3 inclui-se na lista de variantes de interesse do ECDC (<https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/variants-concern>) (Figura 2).
- A **linhagem recombinante XEC** da variante *Omicron*, recentemente incluída na lista de variantes sob monitorização pelo ECDC, foi detectada em Portugal pela primeira vez na semana 31/2024 (Figura 2). Na última amostragem (semanas 40/2024 a 43/2024), apresentou uma **tendência crescente na sua frequência relativa**, totalizando **25,3%** das seqüências analisadas. Paralelamente, esta linhagem tem vindo a ser detetada em vários países, com **tendência crescente a nível global**.



**Figura 2:** Evolução da frequência relativa de algumas sub-linhagens de interesse a circular em Portugal. O gráfico circular mostra a distribuição da frequência relativa de sub-linhagens de SARS-CoV-2 no período das semanas 40/2024 a 43/2024 (entre 30 de setembro a 27 de outubro de 2024) destacando as sub-linhagens com maior frequência neste período. A evolução da frequência relativa da linhagem BA.2.86 (com destaque para as sub-linhagens, KP.3 e KP.3.1.1) e da linhagem recombinante XEC nas últimas semanas é ilustrada no gráfico de linhas. \*\*As frequências apresentadas são relativas às sub-linhagens e suas descendentes. **Consulte no website outros gráficos de forma interativa.**

**Nota técnica:** A linhagem recombinante XEC resultou da recombinação entre duas sub-linhagens da BA.2.86 (KS.1.1 e KP.3.3). Para melhor monitorização da sua circulação e interpretação deste relatório, é apresentada de forma independente da linhagem ancestral BA.2.86.

### Autoria

Núcleo de Genómica e Bioinformática  
Departamento de Doenças Infecciosas  
INSTITUTO NACIONAL DE SAÚDE DOUTOR RICARDO JORGE  
Avenida Padre Cruz, 1649-016 Lisboa, PORTUGAL

### Citação recomendada

Instituto Nacional de Saúde (INSA) Dr. Ricardo Jorge.  
Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal. Lisboa, Portugal INSA; 2022. Disponível em: <https://insaflu.insa.pt/covid19>

### Links úteis

<https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/situation-updates/variants-dashboard>  
<https://www.who.int/activities/tracking-SARS-CoV-2-variants>  
<https://cov-lineages.org/lineage-list.html>  
<https://outbreak.info/>  
<https://www.gisaid.org/>