

Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal

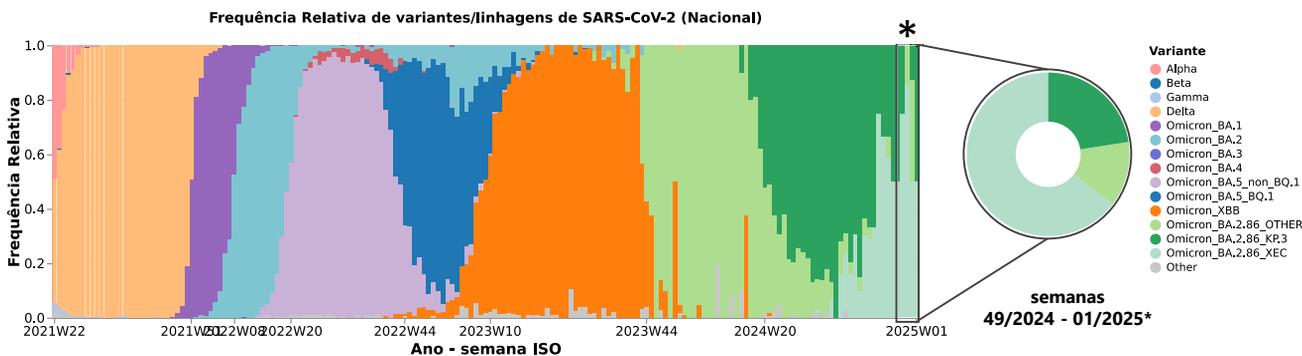
Mais informações em <https://insaflu.insa.pt/covid19>



Relatório de situação

21 de janeiro de 2025

O Instituto Nacional de Saúde Doutor Ricardo Jorge, I.P. analisou até à data **50568** sequências do genoma do vírus SARS-CoV-2.



Principais destaques

- A **linhagem BA.2.86** da variante *Ómicron* tem sido dominante em Portugal desde a semana 44 de 2023, após a sua primeira deteção na semana 33/2023. Dentro das suas linhagens, destaca-se a **KP.3**, incluída na lista de variantes de interesse do ECDC (<https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/variants-concern>). A **KP.3** (e suas sub-linhagens) tem apresentado uma frequência relativa com tendência decrescente em Portugal, representando **22,6%** das sequências analisadas entre as semanas **49/2024 e 01/2025** (Figura 1).
- A **linhagem recombinante XEC** da variante *Ómicron*, resultado da recombinação entre duas sub-linhagens da BA.2.86 (KS.1.1 e KP.3.3), foi recentemente incluída na lista de **variantes sob monitorização do ECDC**, sendo por isso apresentada de forma independente da sua ancestral para melhor monitorização da sua circulação e interpretação deste relatório. A **XEC** foi detetada em Portugal pela primeira vez na semana 31/2024 (Figura 2), e na última amostragem (semanas **49/2024 a 01/2025**) representou **64,5%** das sequências analisadas, **mantendo-se dominante em Portugal**. Esta linhagem tem vindo a ser detetada em vários países, com **tendência crescente a nível global**.

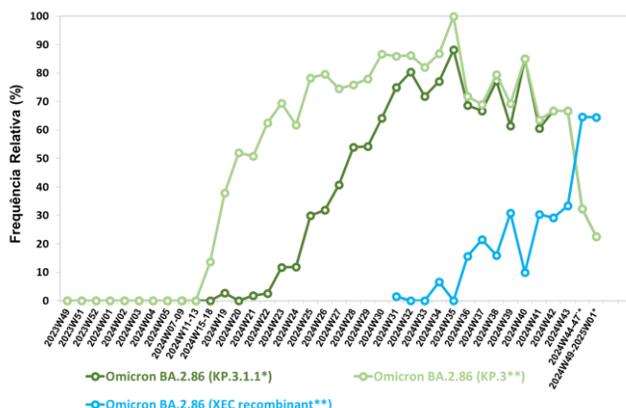
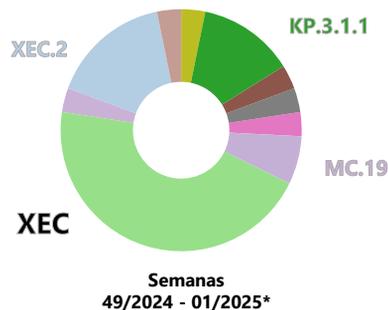


Figura 2: Evolução da frequência relativa de algumas sub-linhagens de interesse a circular em Portugal. O gráfico circular mostra a distribuição da frequência relativa de sub-linhagens de SARS-CoV-2 no período das semanas 49/2024 e 01/2025 (entre 2 de dezembro de 2024 e a 5 de janeiro de 2025) destacando as sub-linhagens com maior frequência neste período. A evolução da frequência relativa das linhagens KP.3 e KP.3.1.1 e da linhagem recombinante XEC nas últimas semanas é ilustrada no gráfico de linhas. **As frequências apresentadas são relativas às sub-linhagens e suas descendentes. Consulte no website outros gráficos de forma interativa.

Autoria

Núcleo de Genómica e Bioinformática
Departamento de Doenças Infecciosas
INSTITUTO NACIONAL DE SAÚDE DOUTOR RICARDO JORGE
Avenida Padre Cruz, 1649-016 Lisboa, PORTUGAL

Citação recomendada

Instituto Nacional de Saúde (INSA) Dr. Ricardo Jorge.
Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal. Lisboa, Portugal INSA; 2022. Disponível em: <https://insaflu.insa.pt/covid19>

Links úteis

<https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/situation-updates/variants-dashboard>
<https://www.who.int/activities/tracking-SARS-CoV-2-variants>
<https://cov-lineages.org/lineage-list.html>
<https://outbreak.info/>
<https://www.gisaid.org/>