

Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal

Mais informações em <https://insaflu.insa.pt/covid19>



Relatório de situação

30 de julho de 2025

O Instituto Nacional de Saúde Doutor Ricardo Jorge, I.P. analisou até à data **50977** sequências do genoma do vírus SARS-CoV-2.

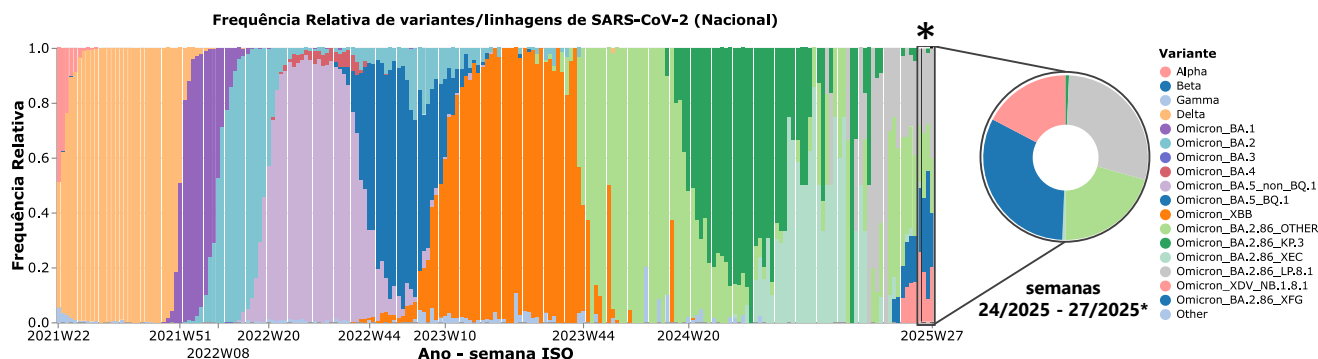


Figura 1: Evolução da frequência relativa semanal das variantes de SARS-CoV-2 em circulação em Portugal entre as semanas ISO 22/2021 (31/05/21 a 06/06/21) e 27/2025 (30/06/25 a 06/07/25), com foco nas últimas semanas. *As frequências relativas apresentadas referem-se ao período entre as semanas ISO 17/2025 a 27/2025. Consulte no website este e outros gráficos de forma interativa.

Principais destaques

Resume-se abaixo o ponto de situação da circulação em Portugal das principais linhagens/variantes de interesse (VOI) ou sob monitorização (VUM) pelo ECDC (<https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/variants-concern>):

- **Linhagem LP.8.1 (VUM) da variante Ómicron BA.2.86:** frequência relativa com tendência estável, representando cerca de **28.7%** das sequências analisadas na última amostragem (**semanas 24/2025 a 27/2025**) (**Figura 1**). Entre as suas sub-linhagens com maior circulação neste período, destaca-se a PF.2.2.1 (**Figura 2**).
- **Linhagem NB.1.8.1 (VUM) da variante Ómicron recombinante XDV:** detetada recentemente em Portugal (semana 20 de 2025), esta VUM apresenta uma frequência relativa com tendência potencialmente crescente, representando cerca de **17.3%** das sequências analisadas na última amostragem (**semanas 24/2025 a 27/2025**) (**Figura 1**). Entre as sub-linhagens com provável maior circulação neste período, destaca-se NB.1.8.1 e PQ.1 (**Figura 2**).
- **Linhagem XFG (VUM) da variante Ómicron BA.2.86:** detetada recentemente em Portugal (semana 18 de 2025), esta VUM apresenta uma frequência relativa com tendência potencialmente crescente, representando cerca de **32%** das sequências analisadas na última amostragem (**semanas 24/2025 a 27/2025**) (**Figura 1**). Entre as suas sub-linhagens com provável maior circulação neste período, destacam-se as seguintes: XFG e XFG.3 (**Figura 2**).
- Para além das VOI e VUM destacadas acima, a última amostragem (semanas 17/2025 a 23/2025) identificou a circulação de **outras sub-linhagens da variante Ómicron BA.2.86 (VOI)**, as quais representaram, em conjunto, uma frequência relativa de cerca de **20.7%** das sequências analisadas nesse período (**Figura 1**). Destaca-se a sub-linhagem PY.1 (**Figura 2**).
- Em suma, **observa-se uma co-circulação de várias linhagens/variantes de interesse (VOI) ou sob monitorização (VUM) segundo o ECDC** (<https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/variants-concern>), sem que haja uma clara dominância de nenhuma delas. Destaca-se, ainda, a **recente deteção e potencial emergência da linhagem recombinante XFG** (recentemente classificada como VUM).

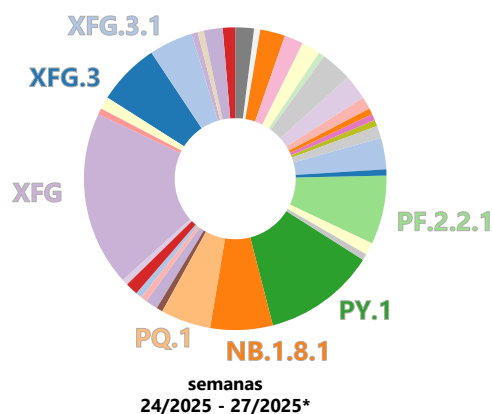


Figura 2: Distribuição da frequência relativa das sub-linhagens de SARS-CoV-2 com maior frequência relativa no período das semanas 24/2025 a 27/2025 (entre 9 de junho e 6 de julho de 2025). Consulte no website outros gráficos de forma interativa.

Autoria

Núcleo de Genómica e Bioinformática
Departamento de Doenças Infecciosas
INSTITUTO NACIONAL DE SAÚDE DOUTOR RICARDO JORGE
Avenida Padre Cruz, 1649-016 Lisboa, PORTUGAL

Citação recomendada

Instituto Nacional de Saúde (INSA) Dr. Ricardo Jorge.
Diversidade genética do novo coronavírus SARS-CoV-2 (COVID-19) em Portugal. Lisboa, Portugal INSA; 2025. Disponível em: <https://insaflu.insa.pt/covid19>

Links úteis

<https://www.ecdc.europa.eu/en/covid-19/situation-updates/variants-dashboard>
<https://www.who.int/activities/tracking-SARS-CoV-2-variants>
https://covid-lineages.org/lineage_list.html
<https://outbreak.info/>
<https://www.gisaid.org/>